**Résumé du PFE : sous titre : Salmonella spp. chez les ovins et bovins dans les abattoirs d’Alger: prévalence, caractérisation phénotypique et génotypique des souches isolées**

**Résumé :**

L’objectif de ce travail est l’étude de la présence et la caractérisation phénotypique et moléculaire des salmonelles dans les abattoirs d’Hussein Dey et ceux d’El-Harrach. Pour cela, 826 échantillons ont été prélevés à partir des carcasses et des matières fécales ovines et bovines. Les sérovars et les profils d’antibiorésistance des isolats ont été déterminés, les gènes de virulence invA et spy ont été recherchés par la technique PCR pour la confirmation du genre Salmonella et du sérovar Typhimurium, respectivement. Enfin, les liens génétiques entre les souches ont été démontrés par la PFGE. Un total de 84 échantillons (10,2%) a été révélé positif à la présence de Salmonella spp, avec une fréquence plus élevée dans les carcasses par rapport aux matières fécales. Les échantillons bovins étaient plus contaminés que les échantillons ovins. Les isolats récupérés étaient répartis en 10 sérovars différents identifiés dont S. Muenster étaient le prédominant. Un ensemble de 68 (80,9%) souches était résistant au moins à un antibiotique testé. La résistance à la streptomycine était la plus fréquente en enregistrant un taux de 69,1%. Une résistance à plus de 5 antibiotiques a été enregistrée chez 15 souches. Un ensemble de 17 profils de résistance a été enregistrés dont 14 profils de multirésistance, incluant le profil d’une pentarésistance de type «ACSSuT» montré par deux souches du sérovar S. Typhimurium. La résistance aux fluoroquinolones a caractérisé 92,3 % des isolats du sérovar S.Kentucky. En parallèle, le gène invA a été détecté dans 96,43% des souches, alors que le gène spy était présent dans toutes les souches appartenant au sérovar Typhimurium. D’autre part, l’analyse de l’ensemble des souches par la PFGE a permis de détecter 22 génotypes démontrant la clonalité de certains sérotypes et confirmant la diffusion et la persistance du même clone dans les établissements étudiés, d’une part, et d’autre part, l’hétérogénéité des profils d’autres sérovars laissant ainsi supposer une possible diversité des sources de contamination dans ces deux abattoirs.

**Abstract**:

The objective of this work is the study of the presence, the phenotypic and molecular characterization of Salmonella in Hussein Dey and El-Harrach slaughterhouses. For this, 826 samples were taken from ovine and bovine carcasses and feces. Serovars and antimicrobial resistance profiles of the isolates were determined; virulence genes invA and spy were searchedusing PCR technique in order to confirm the genus Salmonella and of the serovar Typhimurium, respectively. Finally, the genetic links between strains were demonstrated by PFGE technique. A total of 84 samples (10.2%) were found positive for the presence of Salmonellaspp, with a higher frequency in carcasses compared to feces. Bovine samples were more contaminated than ovine ones. Recovered isolates were distributed among 10 different identified serovars, of which S. Muenster was the predominant. A total of 68 (80.9%) were resistant to at least one tested antibiotic. Streptomycin resistance was most prevalent at 69.1%. Resistance to more than 5 antibiotics was recorded in 15 strains. A set of 17 resistance profiles was recorded including 14 multi-resistance profiles; including the pentarésistance profile "ACSSuT" shown by two strains from S. Typhimurium serovar. Resistance to fluoroquinolones characterized 92.3% of isolates from S. Kentucky serovar In parallel,invA gene was detected in 96.43% of strains, while spy gene were present in in all strains belonging to Typhimurium serovar. On the other hand, the analysis of all the strains by the PFGE detected 22 genotypes demonstrating the clonality of some serotypes and confirming the diffusion and persistence of the same clone in the studied establishments, and on the other hand, the heterogeneity of the profiles of other serotypes thus suggesting a possible diversity of sources of contamination in these two slaughterhouses.