**Résumé du PFE : sous titre : Contribution à l'étude épidémiologique des populations des tiques chez les dromadaires au niveau de la région de Béchar : approche morphologique et moléculaire**

**Résumé:**

La présente étude c’est donnée comme objectif principal d’apporter une contribution originale à la connaissance des populations de tiques infestants le dromadaire dans la région de Béchar. Pour cala, durant la période s’étalant de février 2015 à janvier 2016, un total de 150 dromadaires a été sélectionné au hasard et examiné pour la présence des tiques. La prévalence des dromadaires infestés a été de 68 %. Le nombre de tiques collectées a été de 205. Les tiques adultes étaient présentes durant toute l’année. Six espèces de tiques appartenant majoritairement au genre Hyalomma (97, 57%) ont été rencontrées. Il est à noter que c’est la première fois que le gène ARN 12S est séquencé pour Hyalommalusitanicum et Hyalomma impeltatum qui seront prochainement soumis à la base de donné GenBank, permettant ainsi d’enrichir cette dernière.

**Abstract:**

The aim of this study was mainly to contribute to the knowledge of tick species biting camel’s population in the Bechar region. For that, during the period ranged from from February 2015 to January 2016, 150 camels were randomly selected and examined for the presence of ticks. The prevalence of infected camels was 68%.The number of ticks collected was 205. Adult ticks were present throughout the year. Six species of ticks mostly belonging to the Hyalomma genus (97.57%) were encountered.it should be noted that this is the first time the 12SRNA gene was sequenced for Hyalommalusitanicum and Hyalommaimpeltatum. And which will soon be submitted to the database GenBank in order to enrich it.