**Thèse de Doctorat en Sciences Vétérinaire de Mme Guessoum Meryem**

**Prévalence et antibio-résistance des souches de campylobacter et de helicobacter isolées chez les animaux**

**Alger, École Nationale Supérieure Vétérinaire : 2019**

**Résumé** :

À partir de 1200 prélèvements de selles, issus de 400 ovins, 400 bovins, 200 poulets de chair et de 200 chiens, 363 souches bactériennes dont 358 souches de Campylobacter et 05 souches d’Helicobacter ont été isolées. Ces dernières ont fait l’objet d’une identification biochimique complète par galerie Api Campy, suivi d’un antibiogramme par la méthode de diffusion de disques pour 202 souches de Campylobacter. La détection des IgG anti Helicobacter pylori par le test ELISA dans le sang et de gène glmM par PCR dans le lait a été effectuée chez 200 vaches laitières de la race locale. Nos résultats montrent que les Campylobacter spp. sont très fréquents chez le poulet de chair (98%) mais moins fréquent chez les autres espèces animales (11.5%, 14 % et 26% chez les ovins, les bovins et les chiens respectivement). C.jejuni était le plus fréquemment isolée avec un taux global de 58% chez les animaux de boucherie et 42.3% chez les chiens. La majorité des souches de Campylobacter isolées chez les animaux de boucherie sont classées comme multi-résistantes, contrairement aux souches de C. jejuni canines qui ont présenté de faibles niveaux de résistance. Des taux élevés de résistance aux différents antibiotiques testés ont été notés surtout chez le poulet de chair, principalement à l'Acide nalidixique (96.8%), à la Ciprofloxacine (91.6%) et à l'Érythromycine (88.54%) ; le plus bas niveau de résistance est noté à la Tétracycline (44.7%). Nous avons constaté une séropositivité de 12% (24/200) aux IgG anti H. pylori. Les résultats de la détection de H. pylori par PCR ont révélé que 13% du lait cru de vaches examinées étaient positives pour la présence du gène glmM. La fréquence importante du portage digestif de Campylobacter notée chez les animaux de boucherie ainsi que les taux de résistance élevés aux antibiotiques constituent une vraie menace pour la santé publique en Algérie. Il est possible que le lait de vache soit un mode de transmission dans l'infection par H. pylori. La prise de conscience de l'épidémiologie de H. pylori et sa méthode de distribution sont nécessaires pour les mesures de santé publique et le contrôle de la propagation de cette bactérie.  
  
**Abstract:**

Out of 1200 stool samples, from 400 sheep, 400 cattle, 200 broilers and 200 dogs, 363 bacterial strains, including 358 Campylobacter strains and 05 Helicobacter strains, were isolated and subjected to complete biochemical identification by the Api Campy gallery and a disc diffusion antibiotic susceptibility test of 202 Campylobacter strains. The detection of IgG anti Helicobacter pylori in the serum samples by ELISA test and glmM gene in milk by PCR was carried out in 200 local breed cows. Our results show that Campylobacter spp. are very common in poultry samples (98%) but less common in other animal species (11.5%, 14% and 26% in sheep, cattle and dog respectively). C. jejuni was most frequently isolated with a global rate of 58% in slaughter house animals and 42,3% in dogs. The majority of Campylobacter strains isolated from slaughter animals are classified as multi-resistant, unlike canine C. jejuni strains which have shown low levels of resistance. Ciprofloxacin (91.6%) and Erythromycin (88.54%); the lowest level of resistance is to Tetracycline (44.7%). We found a seropositivity of 12% (24/200) to anti-HP IgG. The results of the detection of H. pylori by PCR revealed that 13% of the raw milk from cows examined was positive for the presence of the glmM gene. The high frequency of digestive carrying of Campylobacter in slaughter animals and high antibiotic resistance rates constitute a real threat to public health in Algeria. Cow's milk may be a mode of transmission in H. pylori infection, awareness of the epidemiology of H. pylori and its distribution method are necessary for public health measures and control of the spread of this disease